



SEQUENCE LISTING

<110> Chenchik, Alex

<120> Methods for Gene Function Analysis

<130> SBIO/0002

<140> 10/658,632

<141> 2003-09-08

<160> 20

<170> PatentIn version 3.2

<210> 1

<211> 43

<212> DNA

<213> human

<220>

<221> promoter

<222> (1) .. (7)

<220>

<221> misc_feature

<222> (8) .. (43)

<223> n=a,t,g,c

<400> 1

ggacgagnnn nnnnnnnnnn nnnnnnnnnn aattcatcta tgt

43

<210> 2

<211> 43

<212> DNA

<213> human

<220>

<221> misc_feature

<222> (7) .. (43)

<223> n=a,t,g,c

<400> 2

cctgctccta gnnnnnnnnn nnnnnnnnnn nnnngtagat aca

43

<210> 3

<211> 59

<212> DNA

<213> human

<220>

<221> misc_feature

<222> (7)..(53)

<400> 3

gatccggatg atctggatcc accaattcaa gagattgggtg gatccagatc atcttttttg 59

<210> 4

<211> 59

<212> DNA

<213> human

<220>

<221> misc_feature

<222> (3)..(59)

<400> 4

gcctactaga cctaggtggt taagttctct aaccacctag gtctagtaga aaaacttaa 59

<210> 5

<211> 75

<212> DNA

<213> human

<220>

<221> misc_feature

<222> (7)..(69)

<400> 5

gatccgggtg atctggatct accaaggctt gttttcaaga gaaacaagtc ttggtggatc 60

cagatcatct ttttg 75

<210> 6

<211> 69

<212> DNA

<213> human

<220>

<221> misc_feature

<222> (3)..(59)

<400> 6

gccactaga cctagatggt tcgaaagttc tctttgttca gaaccactag gtctagtaga 60

aaaacttaa 69

<210> 7

<211> 30

<212> DNA

<213> human

<220>
<221> unsure
<222> (8)..(21)
<223> n=a,t,g,c

<400> 7
tgggaaaann nnnnnnnnnn ntttttagag

30

<210> 8
<211> 30
<212> DNA
<213> human

<220>
<221> unsure
<222> (13)..(25)
<223> n=a,t,g,c

<400> 8
accctttttt tcnnnnnnnn nnnnnatctc

30

<210> 9
<211> 31
<212> DNA
<213> human

<220>
<221> misc_feature
<222> (6)..(31)
<223> Viral vector sequence

<400> 9
aaaggatgat ctggatccac caagacttgt t

31

<210> 10
<211> 31
<212> DNA
<213> human

<220>
<221> misc_feature
<222> (2)..(27)
<223> Viral vector sequence

<400> 10
ctactagacc taggtggttc tgaacaaaaa a

31

<210> 11
<211> 59

<212> DNA
<213> human

<220>
<221> misc_feature
<222> (17)..(42)
<223> n=a,t,g,c

<400> 11
agcagaagac taaaagnnnn nnnnnnnnnn nnnnnnnnnn nnttttatgt cttctacga 59

<210> 12
<211> 19
<212> DNA
<213> human

<220>
<221> primer_bind
<222> (11)..(19)
<223> Viral vector sequence

<400> 12
acgcaggtgt agcagaaga 19

<210> 13
<211> 59
<212> DNA
<213> human

<220>
<221> misc_feature
<222> (17)..(42)
<223> n=a,t,g,c

<400> 13
agcagaagac taaaagnnnn nnnnnnnnnn nnnnnnnnnn nnttttatgt cttctacga 59

<210> 14
<211> 20
<212> DNA
<213> human

<220>
<221> primer_bind
<222> (1)..(11)
<223> Viral vector sequence

<400> 14
cagaagatgc tcacgacgct 20

<210> 15
<211> 78
<212> DNA
<213> human

<220>
<221> misc_feature
<222> (27)..(52)
<223> n=a,t,g,c

<400> 15
acgcaggtgt agcagaagac taaaagnnnn nnnnnnnnnn nnnnnnnnnn nnttttatgt 60

cttctacgag tgctgcga 78

<210> 16
<211> 78
<212> DNA
<213> human

<220>
<221> misc_feature
<222> (27)..(52)
<223> n=a,t,g,c

<400> 16
tgcgccaca tcgtcttctg attttcnnnn nnnnnnnnnn nnnnnnnnnn nnaaaataca 60

gaagatgctc acgacgct 78

<210> 17
<211> 30
<212> DNA
<213> human

<220>
<221> misc_feature
<222> (5)..(30)
<223> n=a,t,g,c

<400> 17
aaagnnnnnn nnnnnnnnnn nnnnnnnnnn 30

<210> 18
<211> 30
<212> DNA
<213> human

<220>

<221> misc_feature
<222> (1)..(26)
<223> n=a,t,g,c

<400> 18
nnnnnnnnnnn nnnnnnnnnnn nnnnnnaaaa

30

<210> 19
<211> 44
<212> DNA
<213> human

<220>
<221> misc_feature
<222> (9)..(35)
<223> n=a,t,g,c

<400> 19
tgggaaaagn nnnnnnnnnnn nnnnnnnnnnn nnnnnnttttt agag

44

<210> 20
<211> 44
<212> DNA
<213> human

<220>
<221> misc_feature
<222> (9)..(35)
<223> n=a,t,g,c

<400> 20
acccttttcn nnnnnnnnnnn nnnnnnnnnnn nnnnnaaaaa tctc

44